

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Agumenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.1640T>C genu RYR1 způsobující maligní hypertermie (MH) po expozici vyvolávacích látek. MH představuje závažnou komplikaci při celkové anestezii, která může být až fatální. MH je farmakogenetická choroba kosterního svalstva, při které dochází k hyperkapii, tachykardii a hypertermii, které jsou vyvolány reakcí na chemické spouštěče - v tomto případě anestetika. Postižení psi nemají žádné klinické příznaky, dokud nejsou vystaveni vyvolávacím látkám.

Mutace způsobující MH je děděna autosomálně dominantně. Pouze jediná kopie mutovaného genu (výsledek N/P (negativní / pozitivní)) nebo P/P (pozitivní / pozitivní) je dostačující pro vznik klinických příznaků. Vzhledem k tomu, že postižení jedinci jsou bez podání vyvolávajících látek zcela bez klinických příznaků, mohou někteří jedinci prožít celý život, aniž by byla během života stanovena diagnóza MH. V případě postiženého jedince je riziko přenosu postižení na potomka 50%.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023
Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023
Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je MH6K-A73Q-7Y6Q-1275-FXNB. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: N₂/N₃

Kódy výsledků:

- N₂/N₂, N₃/N₃, N₂/N₃ = negativní genotyp, pes nese dva nebo tři 12-mery.
- N₂/P, N₃/P = přenašeč epilepsie Lafora.
- P/P = pes postižený epilepsií Lafora.

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence expanze repetitivního 12-meru v NHLRC1 genu způsobující epilepsii Lafora u plemen bigl, miniaturní drsnosrstý jezevčík, baset a čivava. Výskyt této mutace u dalších plemen nelze vyloučit.

Onemocnění Lafora je typ dědičné epilepsie. Klinické příznaky se zpravidla objevují ve věku 5 - 6 let psa nebo později. Epileptické záchvaty se projevují nepravidelnými prudkými záškuby svalů. S postupem času se přidávají i jiné neurologické symptomy jako ataxie, mrkání, slepota nebo demence. Tato forma epilepsie je neléčitelná a fatální.

Expanze repetitivního 12-meru způsobující epilepsii Lafora je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se projeví jen u jedinců P/P, kteří mají expanzi v obou kopiích NHLRC1 genu. Přenašeči mutovaného genu N/P jsou klinicky zdraví, ale mohou přenášet mutaci na své potomky. V případě krytí dvou přenašečů bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % potomků zdědí od obou rodičů mutovaný gen a bude postižen epilepsií.

Metoda: SOP187-Lafora, ASA-PCR z DNA modifikovaného templátu, v rozsahu akreditace

Datum vystavení zprávy: 11.08.2023
Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 11.08.2023
Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia je zkušební laboratoř č.1549 akreditovaná ČIA podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018.
Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kód pro ověření zprávy je 5FYA-754B-T5C8-J734-T728. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Agumentí Heart Boyard

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace g.85286582_85286583insC v genu HSF4 způsobující onemocnění hereditární katarakta (HC) u stafordšírských bulteriérů, francouzských buldoků a HC s časným nástupem u bostonských teriérů.

Mutace způsobující HC u vyjmenovaných plemen je děděna autosomálně recesivně. To znamená, že se nemoc rozvine pouze u jedinců P/P, kteří zdědí od obou svých rodičů mutovaný gen. Přenašeči mutovaného genu N/P jsou klinicky zdraví, ale přenášejí nemoc na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % zdědí od obou rodičů mutovaný gen a budou postiženi HC (P/P).

Metoda: SOP171-HC, fragmentační analýza, v rozsahu akreditace

Datum vystavení zprávy: 14.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 14.08.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia je zkušební laboratoř č.1549 akreditovaná ČIA podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018.
Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kód pro ověření zprávy je 5K7X-TNRH-D4R8-TAJ7-9NC1. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Psí chondrodysplázie (CDPA)
a chondrodystrofie (CDDY)
s rizikem degenerace meziobratlových
plotének (IVDD)

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek chondrodysplázie: N/N

Výsledek chondrodystrofie a riziko IVDD: CDDY/CDDY

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence dvou inzerčních mutací retrogenů pro fibroblastový růstový faktor FGF4 na chromozomech 12 a 18. FGF4 retrogen je zapojen do mnoha biologických procesů včetně vývoje kostí. Psi, kteří nesou obě inserce, vykazují drastické zkrácení nohou (např. baseti, jezevčáci, velšskorgi a skotští teriéři).

Chondrodysplázie (CDPA) je způsobena insercí FGF4 retrogenů do chromozomu 18, je zodpovědná za krátké nohy u plemen baset, velšskorgi, jezevčák, westík, skotský teriér a dalších. Dědičnost mutace CDPA je autozomálně dominantní, tzn. k projevení zkrácených nohou stačí jedna alela předaná od jednoho z rodičů.

Chondrodystrofie (CDDY) je způsobena insercí FGF4 retrogenů do chromozomu 12 a vysvětluje zkrácení nohou u dalších plemen. Tato mutace souvisí i s predispozicí k abnormálnímu růstu a vývoji meziobratlových plotének (IVDD, z anglického intervertebral disk disease I.). U postiženého psa dochází již v prvním roce života k předčasné kalcifikaci, tím pádem ke ztrátě pružnosti a postupné degeneraci meziobratlových plotének. Tyto abnormální meziobratlové ploténky jsou pak vtlačovány do páteřního kanálu, kde krvácení a zánět způsobuje silnou bolest a neurologickou dysfunkci.

Mutace pro CDDY má semidominantní způsob dědičnosti pro výšku. Znamená to, že psi se dvěma kopiemi mutace (CDDY/CDDY) budou menší než psi s jednou kopií (N/CDDY). Dědičnost predispozice k IVDD je autozomálně dominantní, k projevení stačí pouze jedna alela od jednoho z rodičů.

Kódy výsledků chondrodysplázie

| | |
|-----------|--|
| N/N | pes nese mutaci pro chondrodysplázi |
| N/CDPA | pes nese jednu alelu CDPA, mutace způsobí zkrácení končetin oproti psu N/N |
| CDPA/CDPA | pes nese dvě alely CDPA, mutace způsobí zkrácení končetin oproti psu N/N |

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je CTHM-R93R-Y54R-A2FE-9DK1. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]

Vyšetřovaný:

Vzorek: 23-20014

Datum přijetí vzorku: 07.08.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.118G>A v SOD1 genu způsobující degenerativní myelopatii (DM) u mnoha plemen psů. Tato mutace bývá někdy označována SOD1A. Nemoc se projevuje postupnou ztrátou schopnosti pohybu, stav se zhoršuje až do úplného ochrnutí. Věk nástupu nemoci i míra závažnosti projevů se mezi plemeny liší.

Mutace SOD1A je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se projeví jen u jedinců, kteří mají mutaci v obou kopiích SOD1 genu (jedinci s výsledkem P/P). Přenašeči mutovaného genu (jedinci s výsledkem N/P) jsou klinicky zdraví, ale mohou přenášet mutaci na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % potomků zdědí od obou rodičů mutovaný gen a bude postiženo degenerativní myelopatií.

Test nevyklučuje existenci jiné, dosud neznámé, mutace způsobující DM. U bernských salašnických psů byla identifikována ještě mutace SOD1B zodpovědná za vznik DM - tento test mutaci SOD1B nezohledňuje.

Analýzu provedla partnerská laboratoř. Genomia garantuje kvalitu práce svého partnera.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je AQWW-985X-8118-6KCN-HJ8Q. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]

Vyšetřovaný:

Vzorek: 23-20014

Datum přijetí vzorku: 07.08.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.73C>T genu VMD2 způsobující onemocnění CMR1 (Canine Multifocal Retinopathy typ 1) u plemen Velký pyrenejský pes, Anglický mastiff, Bulmastif, Australský ovčák a příbuzných plemen. Tato mutace vede k vytvoření předčasného stop kodonu (R25X) v psím VMD2 genu; gen je zodpovědný za správné sestavení pigmentového epitelu sítnice. Onemocnění se projevuje podsítnicovou akumulací materiálu, způsobující šedivorůžově zbarvené léze. CMR se většinou rozvíjí velmi brzy, ještě před čtvrtým měsícem života štěněte. K úplné ztrátě zraku dochází obvykle až ve vyšším věku.

Mutace způsobující onemocnění CMR1 je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se tedy projeví jen u jedinců P/P, kteří získají mutovaný gen od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců N/P se onemocnění neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Při krytí dvou heterozygotů tedy bude teoreticky 25% potomků zdravých (N/N), 50% potomků budou přenašeči (N/P) a 25% (P/P) zdědí mutované geny od svých rodičů a budou postiženi chorobou CMR1.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je W154-6XHT-N7KD-TD3Y-AK18. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-2014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.2242+2T>C TPO genu způsobující kongenitální hypothyroidismus (CHG) u francouzských buldočků. Nástup klinických příznaků je časný, do jednoho týdne věku. Příznaky zahrnují letargii, neschopnost sání, zpomalení růstu (dwarfismus), dysplazii obratlů a končetin, ztlustělé podkoží, opožděné prořezávání zubů, opožděné otevírání očí a zvukovodů a opožděný růst srsti. Buňky štítné žlázy podléhají hypertrofii a hyperplazii, což vede ke vzniku strumy (zvětšené štítné žlázy).

Mutace způsobující CHG je děděna autosomálně recesivně. To znamená, že se nemoc rozvine pouze u jedinců P/P, kteří zdědí od obou svých rodičů mutovaný gen. Přenašeči mutovaného genu N/P jsou klinicky zdraví, ale přenášejí nemoc na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých (N/N), 50 % potomků přenašečů (N/P) a 25 % potomků (P/P) zdědí od obou rodičů mutovaný gen a budou postiženi CHG.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.12.2023

Datum provedení zkoušky: 08.12.2023 - 21.12.2023

Schválila: Mgr. Markéta Dajbychová, zástupce vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je EJ2X-XYJA-28W4-WM8A-5CDH. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 23-20014

Datum přijetí vzorku: 07.08.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard**Rasa:** Francouzský buldoček

Mikročip: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

| Jméno lokusu | Hodnota | Jméno lokusu | Hodnota |
|--------------|---------|--------------|---------|
| INRA21 | 95/95 | AHT137 | 135/135 |
| REN169D01 | 212/216 | AHTh260 | 246/246 |
| AHTk253 | 288/292 | INU005 | 126/126 |
| REN169O18 | 170/170 | INU055 | 210/210 |
| FH2848 | 240/240 | AHTk211 | 87/95 |
| CXX279 | 126/126 | INU030 | 150/152 |
| Amelogenin | X/Y | REN54P11 | 222/228 |
| AHT121 | 100/108 | FH2054 | 148/156 |
| REN162C04 | 202/206 | AHTh171 | 219/225 |
| REN247M23 | 270/272 | AHTH130 | 121/123 |
| REN105L03 | 233/235 | REN64E19 | 145/147 |

Komentář k výsledku

Byly testovány STR markery zahrnuté v panelu ISAG (International Society for Animal Genetics) a výsledek byl vztažen k ISAG2016. DNA profil je kompatibilní s ISAG 2006 a všemi následujícími standardy. Marker FH2054 byl roku 2017 vypuštěn z panelu ISAG markerů z důvodu vysoké frekvence mutace; tento marker se proto nevyužívá při posouzení rodičovství.

Metoda: SOP35-pes, fragmentační analýza STR markerů, v rozsahu akreditace

Datum vystavení zprávy: 22.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 22.08.2023

Schválila: Ing. Irena Rusková, analytik



Genomia je zkušební laboratoř č.1549 akreditovaná ČIA podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kód pro ověření zprávy je SQNB-Q3C9-6BEA-5F1Y-TTE4. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročíp: 941 000 027 476 379

Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23

Datum narození: 5.5.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 04.08.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: B/B

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.991C>T (alela b^s), c.1033_1036delCCT (alela b^d) a c.121T>A (alela b^c) TYRP1 genu (lokus B), zodpovědných za hnědé zbarvení srsti a čenichu. Jedná se o sérii alel lokusu B (Brown). Původní "nehnědá" varianta alely je označována B.

- Jestliže je výsledek B/B, jedinec nenese vlohu pro hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek B/b^c nebo B/b^d nebo B/b^s, jedinec přenáší hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek b^c/b^c nebo b^d/b^d nebo b^s/b^s, jedinec je hnědý.
- Jestliže jsou ve výsledku uvedeny dvě a více různých alel, jedinec je buď přenašeč hnědé barvy bez projevu hnědé zbarvení (b-alely jsou zděděny od jednoho rodiče) nebo je hnědě zbarvený (b-alely jsou zděděny od obou rodičů). Není možné rozhodnout o výsledném genotypu bez testování rodičů.

Fenotypový projev alely b (hnědé zbarvení) je děděn autosomálně recesivně. Vyšetření nevylučuje existenci dalších dosud nepopsaných vzácných variant v TYRP1 genu, zodpovědných za hnědé zbarvení srsti popř. čenichu. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno také přítomností alel dalších lokusů (A, E, D, K).

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je AY89-43TC-9TNE-ETD3-K3WR. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: N/N

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genové varianty c.2420G>A genu HPS3 ovlivňující tmavě čokoládové zbarvení srsti u francouzských buldočků. Jedná se o genovou variantu děděnou nezávisle na lokusu B, alelách bc, bd, bs genu TYRP1. Syntéza černého eumelaninu je variantou HPS3 genu oproti variantě TYRP1 jen částečně zablokována, takže výsledný odstín je tmavě hnědý (kakaový, cocoa). Štěňata s mutací HPS3 se rodí jako hnědá a s věkem jejich barva tmavne; v dospělosti jsou o něco tmavší než dospělí psi s variantou TYRP1. Pohledem nelze varianty hnědé srsti způsobené geny HPS3 a TYRP1 vždy spolehlivě rozlišit, pro rozlišení je třeba genetický test.

Varianta c.2420G>A genu HPS3 je děděna autosomálně recesivně. Tmavě hnědá barva se projeví u psů s výsledkem cocoa/cocoa. Psi s výsledkem N/cocoa jsou přenašeči tmavě hnědé barvy. Psi s výsledkem N/N tmavě hnědou barvu nenesou.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023
Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023
Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je BF8E-9C7T-AQJM-9928-Q2WR. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: D/D

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.-22G>A genu MLPH (melanophilin) vedoucí k ředění barvy srsti u psů. Jedná se o sérii alel lokusu D (Dilution). Gen MLPH zodpovídá za hustotu granulí pigmentů (eumelaninu) v chlupu. Přítomnost genové varianty c.-22A, alela d1, způsobuje úbytek granulí pigmentu v chlupu; původně černé zbarvení se projeví jako modré, hnědé zbarvení se zředí na lila.

Fenotypový projev alely d1 je děděn autosomálně recesivně. Ředění barvy se tedy projeví jen u jedinců (d1/d1), kteří zdědí alelu d1 od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců (výsledek testu D/d1) se zředění barvy neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Jedinci s výsledkem D/D nepřenášejí ředění barvy.

Za ředění barvy u různých plemen psů je zodpovědná ještě genová varianta c.705C MLPH genu (alela d2). Ředění psi jsou také složeni heterozygoté d1/d2, kdy každá alela pochází od jiného rodiče.

Pravděpodobně budou nalezeny ještě další genové varianty zodpovědné na ředění barev. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno přítomností alel dalších lokusů (E, B, A, K).

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023
Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023
Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je AM4H-FDF7-CS1R-M65F-H7D7. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Jessica Depalová, [REDACTED]
Vyšetřovaný:
Vzorek: 23-20014
Datum přijetí vzorku: 07.08.2023
Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Aguamenti Heart Boyard
Rasa: Francouzský buldoček
Mikročip: 941 000 027 476 379
Registrační číslo: CMKU/FB/13356/23
Datum narození: 5.5.2023
Pohlaví: samec
Datum odběru: 04.08.2023
Při odběru byla ověřena identita jedince.
Ověřil/a MVDr. [REDACTED]

Výsledek: D/D

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.705G>C genu MLPH (melanophilin) vedoucí k ředění barvy srsti u psů. Jedná se o sérii alel lokusu D (Dilution). Gen MLPH zodpovídá za hustotu granulí pigmentů (eumelaninu i feomelaninu) v chlupu. Přítomnost genové varianty c.705C, alela d2, způsobuje úbytek granulí pigmentu v chlupu; původně černé zbarvení se projeví jako modré, hnědé zbarvení se zředí na lila.

Fenotypový projev alely d2 je děděn autosomálně recesivně. Ředění barvy se tedy projeví jen u jedinců (d2/d2), kteří zdědí alelu d2 od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců (jedinců s výsledkem D/d2) se zředění neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Jedinci s výsledkem D/D nepřenaší ředění barvy způsobené alelou d2.

Za ředění barvy u různých plemen psů je zodpovědná ještě genová varianta c.-22A genu MLPH (alela d1). Ředění psi jsou také složeni heterozygoté d1/d2, kdy každá alela pochází od jiného rodiče.

Pravděpodobně budou nalezeny ještě další genové varianty zodpovědné na ředění barev. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno přítomností alel dalších lokusů (E, B, A, K).

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 21.08.2023

Datum provedení zkoušky: 07.08.2023 - 21.08.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 74EB-3DTD-KE71-K751-9543. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.