



# POTVRZENÍ O VYŠETŘENÍ NA LUXACI ČEŠKY (PATELLY)



Posuzovatel: **Ordinace 1**  
Adresa veterinární praxe: **LIVE VET s.r.o., Zelená 1, 412 01, Litoměřice : live@veterina-live.cz**

Potvrzuji, že jsem provedl a posoudil stupeň luxace češky (patelly) u psa

Plemene: **Francouzský buldoček**

Pohlaví: **samec** Datum narození: **23.10.2022** Barva: Ráz:

Jméno a chovná stanice: **Warrior od Stříbrňáku,** Tetovací číslo, čip: **900163000297667**

Chovatelský klub:

Jméno a adresa majitele: **Lucie Koudelková, Rudolice v horách, 435 46 Hora-Svaté Kateřiny**

**Souhlasím / I do**  **Nesouhlasím / Do not** s předáním výsledků vyšetření / *agree with transmitting the results of the examination to*

Nacionálně souhlasí s údaji v průkazu původu, do kterého bylo potvrzeno provedené vyšetření.

Datum: **09.04.2024**

Podpis majitele:

## Výsledek vyšetření / stupeň postižení - podtrhnout:

Levá končetina:      0            1            2            3            4

Pravá končetina:    0            1            2            3            4

Tímto vyšetřením potvrzuji, že pes ~~je~~ / **není** postížen luxací češky (patelly).

**LIVE VET s.r.o.**  
MVDr. Eva Štolcová 3322  
Litoměřice, Zelená 1  
tel. 739 052 321

Datum: **09-04-2024**

Podpis a razítko  
*Signature and stamp:*

**Zákazník:** Lucie Koudelková, Rudolice v Horách 18, 43546 Hora Svaté Kateřiny, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 23-41302

Datum přijetí vzorku: 16.05.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno: Warrior od Stříbrnáku**

**Rasa: Francouzský buldoček**

Mikročip: 900 163 000 297 667

Registrační číslo: CMKU/FB/13068/22

Datum narození: 23.10.2022

Pohlaví: samec

Datum odběru: 13.05.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a Mgr. Martina Šafrová, Genomia s.r.o.

Výsledek: B/B

**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.991C>T (alela b<sup>s</sup>), c.1033\_1036delCCT (alela b<sup>d</sup>) a c.121T>A (alela b<sup>c</sup>) TYRP1 genu (lokus B), zodpovědných za hnědé zbarvení srsti a čenichu. Jedná se o sérii alel lokusu B (Brown). Původní "nehnědá" varianta alely je označována B.

- Jestliže je výsledek B/B, jedinec nenes vloh pro hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek B/b<sup>c</sup> nebo B/b<sup>d</sup> nebo B/b<sup>s</sup>, jedinec přenáší hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek b<sup>c</sup>/b<sup>c</sup> nebo b<sup>d</sup>/b<sup>d</sup> nebo b<sup>s</sup>/b<sup>s</sup>, jedinec je hnědý.
- Jestliže jsou ve výsledku uvedeny dvě a více různých alel, jedinec je buď přenašeč hnědé barvy bez projevu hnědé zbarvení (b-alely jsou zděděny od jednoho rodiče) nebo je hnědě zbarvený (b-alely jsou zděděny od obou rodičů). Není možné rozhodnout o výsledném genotypu bez testování rodičů.

Fenotypový projev alely b (hnědé zbarvení) je děděn autosomálně recesivně. Vyšetření nevylučuje existenci dalších dosud nepopsaných vzácných variant v TYRP1 genu, zodpovědných za hnědé zbarvení srsti popř. čenichu. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno také přítomností alel dalších lokusů (A, E, D, K).

Metoda: SOPAgriseq\_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 30.05.2023

Datum provedení zkoušky: 16.05.2023 - 30.05.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je C992-7D8X-X5TH-6ATM-QH8M. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.  
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.  
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

**Zákazník:** Lucie Koudelková, Rudolice v Horách 18, 43546 Hora Svaté Kateřiny, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 23-41302

Datum přijetí vzorku: 16.05.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno:** Warrior od Stříbrnáku

**Rasa:** Francouzský buldoček

Mikročip: 900 163 000 297 667

Registrační číslo: CMKU/FB/13068/22

Datum narození: 23.10.2022

Pohlaví: samec

Datum odběru: 13.05.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a Mgr. Martina Šafrová, Genomia s.r.o.

Výsledek: D/D

**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.-22G>A genu MLPH (melanophilin) vedoucí k ředění barvy srsti u psů. Jedná se o sérii alel lokusu D (Dilution). Gen MLPH zodpovídá za hustotu granulí pigmentů (eumelaninu) v chlupu. Přítomnost genové varianty c.-22A, alela d1, způsobuje úbytek granulí pigmentu v chlupu; původně černé zbarvení se projeví jako modré, hnědé zbarvení se zředí na lila.

Fenotypový projev alely d1 je děděn autosomálně recesivně. Ředění barvy se tedy projeví jen u jedinců (d1/d1), kteří zdědí alelu d1 od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců (výsledek testu D/d1) se zředění barvy neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Jedinci s výsledkem D/D nepřenaší ředění barvy.

Za ředění barvy u různých plemen psů je zodpovědná ještě genová varianta c.705C MLPH genu (alela d2). Ředění psi jsou také složeni heterozygoté d1/d2, kdy každá alela pochází od jiného rodiče.

Pravděpodobně budou nalezeny ještě další genové varianty zodpovědné na ředění barev. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno přítomností alel dalších lokusů (E, B, A, K).

Metoda: SOPAgriseq\_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 30.05.2023

Datum provedení zkoušky: 16.05.2023 - 30.05.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je BBTC-NFBN-KDT8-7QN1-356E. Jděte na [www.genomia.cz](http://www.genomia.cz) pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

**Zákazník:** Lucie Koudelková, Rudolice v Horách 18, 43546 Hora Svaté Kateřiny, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 23-41302

Datum přijetí vzorku: 16.05.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno: Warrior od Stříbrnáku**

**Rasa: Francouzský buldoček**

Mikročip: 900 163 000 297 667

Registrační číslo: CMKU/FB/13068/22

Datum narození: 23.10.2022

Pohlaví: samec

Datum odběru: 13.05.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a Mgr. Martina Šafrová, Genomia s.r.o.

**Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)**

**Vysvětlivky:** N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.73C>T genu VMD2 způsobující onemocnění CMR1 (Canine Multifocal Retinopathy typ 1) u plemen Velký pyrenejský pes, Anglický mastiff, Bulmastif, Australský ovčák a příbuzných plemen. Tato mutace vede k vytvoření předčasného stop kodonu (R25X) v psím VMD2 genu; gen je zodpovědný za správné sestavení pigmentového epitelu sítnice. Onemocnění se projevuje podsítnicovou akumulací materiálu, způsobující šedivorůžově zbarvené léze. CMR se většinou rozvíjí velmi brzy, ještě před čtvrtým měsícem života štěněte. K úplné ztrátě zraku dochází obvykle až ve vyšším věku.

Mutace způsobující onemocnění CMR1 je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se tedy projeví jen u jedinců P/P, kteří získají mutovaný gen od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců N/P se onemocnění neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Při krytí dvou heterozygotů tedy bude teoreticky 25% potomků zdravých (N/N), 50% potomků budou přenašeči (N/P) a 25% (P/P) zdědí mutované geny od svých rodičů a budou postiženi chorobou CMR1.

Metoda: SOPAgriseq\_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 30.05.2023

Datum provedení zkoušky: 16.05.2023 - 30.05.2023

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je DKRB-DX81-97Y7-2TT2-JM26. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.  
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.  
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

**Zákazník:** Lucie Koudelková, Rudolice v Horách 18, 43546 Hora Svaté Kateřiny, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 23-41302

Datum přijetí vzorku: 16.05.2023

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno: Warrior od Stříbrnáku**

**Rasa: Francouzský buldoček**

Mikročip: 900 163 000 297 667

Registrační číslo: CMKU/FB/13068/22

Datum narození: 23.10.2022

Pohlaví: samec

Datum odběru: 13.05.2023

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a Mgr. Martina Šafrová, Genomia s.r.o.

**Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)**

**Vysvětlivky:** N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace g.85286582\_85286583insC v genu HSF4 způsobující onemocnění hereditární katarakta (HC) u stafordšířských bulteriérů, francouzských buldoků a HC s časným nástupem u bostonských teriérů.

Mutace způsobující HC u vyjmenovaných plemen je děděna autosomálně recesivně. To znamená, že se nemoc rozvine pouze u jedinců P/P, kteří zdědí od obou svých rodičů mutovaný gen. Přenašeči mutovaného genu N/P jsou klinicky zdraví, ale přenášejí nemoc na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % zdědí od obou rodičů mutovaný gen a budou postiženi HC (P/P).

Metoda: SOP171-HC, fragmentační analýza, v rozsahu akreditace

Datum vystavení zprávy: 22.05.2023

Datum provedení zkoušky: 16.05.2023 - 22.05.2023

Schválila: Ing. Nikola Eretová, analytik



Genomia je zkušební laboratoř č.1549 akreditovaná ČIA podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kód pro ověření zprávy je 4F8N-RCXJ-TJT2-55FX-171K. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.