



POTVRZENÍ O VYŠETŘENÍ NA LUXACI ČEŠKY (PATELLY)



Posuzovatel: **Recepce**
Adresa veterinární praxe: **LIVE VET s.r.o., Zelená 1, 412 01, Litoměřice : live@veterina-live.cz**

Potvrzuji, že jsem provedl a posoudil stupeň luxace česky (patelly) u psa

Plemene: **Francouzský buldoček**

Pohlaví: **samec** Datum narození: **17.04.2023** Barva: **žíhaná, krátká** Ráz:

Jméno a chovná stanice: **Ice-T Bakasu Kennel ,** Tetovací číslo, čip: **953010100652816**

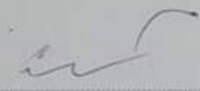
Chovatelský klub:

Jméno a adresa majitele: **Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 460 08 Liberec** E-mail:

Souhlasím / I do **Nesouhlasím** / Do not s předáním výsledků vyšetření / agree with transmitting the results of the examination to

Nacionálně souhlasí s údaji v průkazu původu, do kterého bylo potvrzeno provedené vyšetření.

Datum: **23.04.2024**

Podpis majitele: 

Výsledek vyšetření / stupeň postižení - podtrhnout:

Levá končetina: 0 1 2 3 4

Pravá končetina: 0 1 2 3 4

Tímto vyšetřením potvrzuji, že pes ~~je~~ **není** postižen luxací česky (patelly).

LIVE VET s.r.o.
M. A. Eva Štoltcová 3322
Litoměřice, Zelená 1
tel: 739 052 321

Datum:~~23-04-2024~~

Podpis a razítko
Signature and stamp:

Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: B/B

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.991C>T (alela b^s), c.1033_1036delCCT (alela b^d) a c.121T>A (alela b^c) TYRP1 genu (lokus B), zodpovědných za hnědé zbarvení srsti a čenichu. Jedná se o sérii alel lokusu B (Brown). Původní "nehnědá" varianta alely je označována B.

- Jestliže je výsledek B/B, jedinec nenese vlohu pro hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek B/b^c nebo B/b^d nebo B/b^s, jedinec přenáší hnědou barvu.
- Jestliže je výsledek b^c/b^c nebo b^d/b^d nebo b^s/b^s, jedinec je hnědý.
- Jestliže jsou ve výsledku uvedeny dvě a více různých alel, jedinec je buď přenašeč hnědé barvy bez projevu hnědé zbarvení (b-alely jsou zděděny od jednoho rodiče) nebo je hnědě zbarvený (b-alely jsou zděděny od obou rodičů). Není možné rozhodnout o výsledném genotypu bez testování rodičů.

Fenotypový projev alely b (hnědé zbarvení) je děděn autosomálně recesivně. Vyšetření nevyklučuje existenci dalších dosud nepopsaných vzácných variant v TYRP1 genu, zodpovědných za hnědé zbarvení srsti popř. čenichu. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno také přítomností alel dalších lokusů (A, E, D, K).

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: D/D

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.-22G>A genu MLPH (melanophilin) vedoucí k ředění barvy srsti u psů. Jedná se o sérii alel lokusu D (Dilution). Gen MLPH zodpovídá za hustotu granulí pigmentů (eumelaninu) v chlupu. Přítomnost genové varianty c.-22A, alela d1, způsobuje úbytek granulí pigmentu v chlupu; původně černé zbarvení se projeví jako modré, hnědé zbarvení se zředí na lila.

Fenotypový projev alely d1 je děděn autosomálně recesivně. Ředění barvy se tedy projeví jen u jedinců (d1/d1), kteří zdědí alelu d1 od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců (výsledek testu D/d1) se zředění barvy neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Jedinci s výsledkem D/D nepřenaší ředění barvy.

Za ředění barvy u různých plemen psů je zodpovědná ještě genová varianta c.705C MLPH genu (alela d2). Ředění psi jsou také složeni heterozygoté d1/d2, kdy každá alela pochází od jiného rodiče.

Pravděpodobně budou nalezeny ještě další genové varianty zodpovědné na ředění barev. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno přítomností alel dalších lokusů (E, B, A, K).

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je MYA4-NK59-TN37-MTW2-7727. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: sěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: N/N

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genové varianty c.2420G>A genu HPS3 ovlivňující tmavě čokoládové zbarvení srsti u francouzských buldočků. Jedná se o genovou variantu děděnou nezávisle na lokusu B, alelách bc, bd, bs genu TYRP1. Syntéza černého eumelaninu je variantou HPS3 genu oproti variantě TYRP1 jen částečně zablokovaná, takže výsledný odstín je tmavě hnědý (kakaový, cocoa). Štěňata s mutací HPS3 se rodí jako hnědá a s věkem jejich barva tmavne; v dospělosti jsou o něco tmavší než dospělí psi s variantou TYRP1. Pohledem nelze varianty hnědé srsti způsobené geny HPS3 a TYRP1 vždy spolehlivě rozlišit, pro rozlišení je třeba genetický test.

Varianta c.2420G>A genu HPS3 je děděna autosomálně recesivně. Tmavě hnědá barva se projeví u psů s výsledkem cocoa/cocoa. Psi s výsledkem N/cocoa jsou přenašeči tmavě hnědé barvy. Psi s výsledkem N/N tmavě hnědou barvu nenesou.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp, N/P = přenašeč mutace, P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.118G>A v SOD1 genu způsobující degenerativní myelopatii (DM) u mnoha plemen psů. Tato mutace bývá někdy označována SOD1A. Nemoc se projevuje postupnou ztrátou schopnosti pohybu, stav se zhoršuje až do úplného ochrnutí. Věk nástupu nemoci i míra závažnosti projevů se mezi plemeny liší.

Mutace SOD1A je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se projeví jen u jedinců, kteří mají mutaci v obou kopiích SOD1 genu (jedinci s výsledkem P/P). Přenašeči mutovaného genu (jedinci s výsledkem N/P) jsou klinicky zdraví, ale mohou přenášet mutaci na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % potomků zdědí od obou rodičů mutovaný gen a bude postiženo degenerativní myelopatií.

Test nevylučuje existenci jiné, dosud neznámé, mutace způsobující DM. U bernských salašnických psů byla identifikována ještě mutace SOD1B zodpovědná za vznik DM - tento test mutaci SOD1B nezohledňuje.

Analýzu provedla partnerská laboratoř. Genomia garantuje kvalitu práce svého partnera.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je RKCE-9TBW-4332-J99N-RHB2. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp. N/P = přenašeč mutace. P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace g.85286582_85286583insC v genu HSF4 způsobující onemocnění hereditární katarakta (HC) u stafordšírských bulteriérů, francouzských buldoků a HC s časným nástupem u bostonských teriérů.

Mutace způsobující HC u vyjmenovaných plemen je děděna autosomálně recesivně. To znamená, že se nemoc rozvine pouze u jedinců P/P, kteří zdědí od obou svých rodičů mutovaný gen. Přenašeči mutovaného genu N/P jsou klinicky zdraví, ale přenášejí nemoc na své potomky. V případě krytí dvou heterozygotních jedinců (N/P) bude teoreticky 25 % potomků zcela zdravých, 50 % potomků přenašečů a 25 % zdědí od obou rodičů mutovaný gen a budou postiženi HC (P/P).

Metoda: SOP171-HC, fragmentační analýza, v rozsahu akreditace

Datum vystavení zprávy: 31.01.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 31.01.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia je zkušební laboratoř č.1549 akreditovaná ČIA podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018.
Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kód pro ověření zprávy je YHMJ-WD7E-85AD-Y6E5-XJ4Y. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

Zákazník: Zuzana Svobodová, K Bucharce 574, 46008 Liberec XIX, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 24-00108

Datum přijetí vzorku: 23.01.2024

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: ICE-T Bakasu Kennel

Rasa: Francouzský buldoček

Mikročip: 953 010 100 652 816

Datum narození: 17.4.2023

Pohlaví: samec

Datum odběru: 20.01.2024

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Čeněk Červený

Výsledek: Mutace nebyla detekována (N/N)

Vysvětlivky: N/N = normální genotyp, N/P = přenašeč mutace, P/P = mutovaný genotyp (u jedince se s největší pravděpodobností projeví onemocnění). (N = negativní; P = pozitivní)

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost či absence mutace c.73C>T genu VMD2 způsobující onemocnění CMR1 (Canine Multifocal Retinopathy typ 1) u plemen Velký pyrenejský pes, Anglický mastiff, Bulmastif, Australský ovčák a příbuzných plemen. Tato mutace vede k vytvoření předčasného stop kodonu (R25X) v psím VMD2 genu; gen je zodpovědný za správné sestavení pigmentového epitelu sítnice. Onemocnění se projevuje podsítnicovou akumulací materiálu, způsobující šedivorůžově zbarvené léze. CMR se většinou rozvíjí velmi brzy, ještě před čtvrtým měsícem života štěněte. K úplné ztrátě zraku dochází obvykle až ve vyšším věku.

Mutace způsobující onemocnění CMR1 je děděna autosomálně recesivně. Nemoc se tedy projeví jen u jedinců P/P, kteří získají mutovaný gen od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců N/P se onemocnění neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Při krytí dvou heterozygotů tedy bude teoreticky 25% potomků zdravých (N/N), 50% potomků budou přenašeči (N/P) a 25% (P/P) zdědí mutované geny od svých rodičů a budou postiženi chorobou CMR1.

Metoda: SOPAgriseq_canine, ngs

Datum vystavení zprávy: 03.02.2024

Datum provedení zkoušky: 23.01.2024 - 03.02.2024

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je Q1T4-34XN-XCH4-2CC5-9YXA. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.